

IDENTIFICATION

Species: *Citrus clementina*

Locus: Ciclev10021884

Gene Model: Ciclev10021884m

Description: CclEXLB-03

Family: Expansin Like Beta

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cclementina_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T02982>

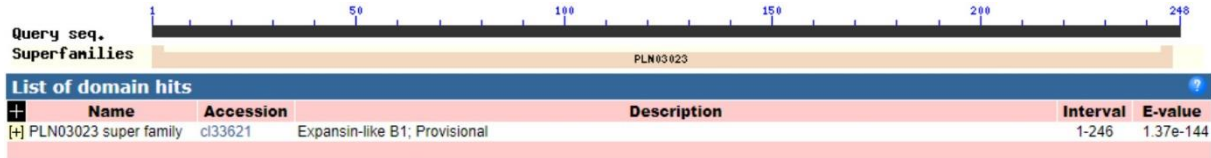
EXTERNAL RESOURCES

<https://www.citrusgenomedb.org/organism/Citrus/clementina>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CclEXLB-03

MGLCQYYLLSVMMLLPALCYSQYFTFTSSRATYYGSPDGLGTPTGACGFGGYGRTVN
DANVAGVSRLLWNGTGCGTCYQVRCTVPEVCTDYGVSVVVTDYGEEDDTDFILSPR
AYGRMAITDKSEKLYSYGVVDVEFERVSCRFRGYNVMFKVHENSRYYPQYLAVSML
YVGGQNDVLAVEIWRKDRHEWVAMRRAFGAVFDIPNPPPGAINLRFQVSGSAGLTW
VVANNAIPKIWKAGVAYESAIQLE*

CDS (coding sequence)

>CclEXLB-03

ATGGGGTTATGTCAATACTACCTTCTTTCCGTCGTGATGCTTTTGCCTGCATTGTG
T TACTCTCAGTACACATTCACAAGTTCTAGAGCTACATACTATGGTAGCCCTGAC
GGCTTGGGGACACCAACTGGTGCTTGC GGGTTTGGTGGATATGGAAGAACTGTAA
ATGATGCTAACGTGGCCGGTGTGTCGAGGCTTTGGAATAATGGAAGTGGTTGTGG
AACTTGCTATCAGGTCAGATGCACTGTACCAGAAGTTTGCACAGATTATGGGGTG
TCCGTGGTGGTGACTGACTATGGTGAAGGAGACGACACAGACTTCATCCTCAGCC
CACGCGCATATGGAAGAATGGCAATTACAGATAAGTCAGAAAAGCTTTATTCTTA
TGGTGTCGTCGACGTTGAATTCGAGAGAGTCTCTTGCCGGTTCAGAGGCTACAAC
GTCATGTTCAAGGTCCATGAAAACAGCAGGTACCCGCAGTACTTGCCCGTATCCA
TGCTGTACGTAGGTGGCCAAAATGACGTCCTAGCAGTTGAAATATGGCGGAAGG
ATCGTCATGAATGGGTTGCGATGAGAAGGGCTTTCCGGTGCAGTATTTGACATCCC
TAATCCACCACCAGGAGCAATTAATTTGAGGTTTCAAGTGAGTGGCAGCGCGGGG
CTCACATGGGTTGTGGCAAACAATGCTATTCCAAAATATGGAAGGCTGGAGTTG
CTTATGAGTCAGCAATTCAGCTTGAATAA

Nucleotide

>CclEXLB-03

ATGGGGTTATGTCAATACTACCTTCTTTCCGTCGTGATGCTTTTGCCTGCATTGTG
T TACTCTCAGTACACATTCACAAGTTCTAGAGCTACATACTATGGTAGCCCTGAC
GGCTTGGGGACACCAAGTATGTAAAAATCTCACCTTTATAAAGCTATGTACATTA
AACCCGTGCACAAGTTTACGCGAACTAATAGTTCATTTTATTATGCTTTAGAGAA
TTTTTGT TTTGGTATTTGTTTATCTTTTAGATTA ACTAATGTTTCATGTTGATGATTC

ATCAGCTGGTGCTTGCGGGTTTGGTGGATATGGAAGAAGCTGTAAATGATGCTAAC
GTGGCCGGTGTGTCGAGGCTTTGGAATAATGGAAGCTGGTTGTGGAAGCTTGCTATC
AGGTAATGGTTATTAACCTTCAACCCACTCAATCATTGCAGTTTATTGTAAAGCTA
TATAATAAATGTGTAAAGTGAACGAATTGCTAAGACGGCTAAGCCTCTGCATGAA
AAGAATTTGAAAACCTTTATTTATTCAAATTATATTGTTTATAAATAAATAAATAAA
TAAATATATATATATATATATATATATATATATATATATATAAATGTAGTTGCA
TGCATATTCTTCATAAGACTGCTTAAATAATTTCAAGCATCGTCAACAATTTTATG
ACCACTAATAATTCTTTTGGTTTTGTACCACCAATTAATAATGATTAGTTAATTA
TTAACTTCAGGTCAGATGCACTGTACCAGAAGTTTGCACAGATTATGGGGTGTCC
GTGGTGGTGACTGACTATGGTGAAGGAGACGACACAGACTTCATCCTCAGCCCAC
GCGCATATGGAAGAATGGCAATTACAGATAAGTCAGAAAAGCTTTATTCTTATGG
TGTCGTCGACGTTGAATTCGAGAGAGTCTCTTGCCGGTTCAGAGGCTACAACGTC
ATGTTCAAGGTCCATGAAAACAGCAGGTACCCGCAGTACTTGGCCGTATCCATGC
TGTACGTAGGTGGCCAAAATGACGTCCTAGCAGTTGAAATATGGCGGGTAATTAC
TTACAAATTAACCTTCTAAACAATTGATTTTTGGCCCGTCCATCGCATGTAATGCTT
TTGTTGGTGCAGAAGGATCGTCATGAATGGGTTGCGATGAGAAGGGCTTTCGGTG
CAGTATTTGACATCCCTAATCCACCACCAGGAGCAATTAATTTGAGGTTTCAAGT
GAGTGGCAGCGCGGGGCTCACATGGGTTGTGGCAAACAATGCTATTCCAAAAAT
ATGGAAGGCTGGAGTTGCTTATGAGTCAGCAATTCAGCTTGAATAAATTTGAGAT
ATCCCAAGCTTTATTACTGGTTCCTGGTTATCAGCTTCTTAATGTCATTTAGAT
ATTCTAGTATGTTGTTGCCAGCATCCGTAAGTGCTGTTACCTTATCTTTTTATCTT
TTTTTTTTTCTAGTTTGTGCTTAGCGTGTATTGTGGACTCCCGTCTTCTCAACAC
TTAACTAGTTGCTAAATAAATAGTGGGATTGTGTACTTTAATTAGATCTTTTGAT
CTAATCAATGAAGCAGTAAATGAATAAAATTCCACTTTCT