

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

Locus: AUR62030623

Gene Model: AUR62030623

Description: CqEXPA-45

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

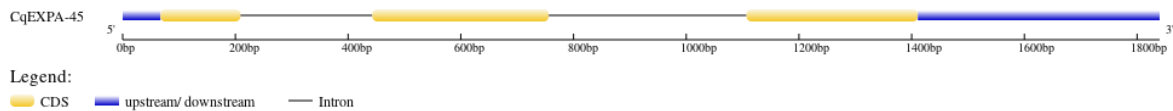
KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

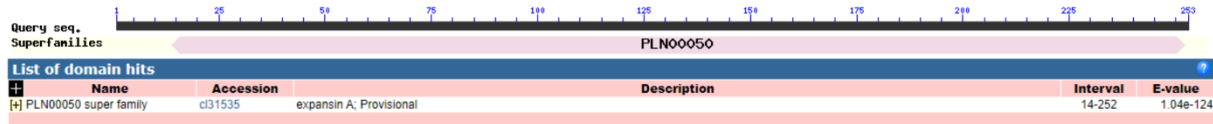
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-45

MAINPTFSVSLVLILINVCVLGAYAGYGGWTDAAHATFYGGGDASGTMGGACGYGNL
YSQGYGTSTAALSTALFNGLSCGSCYELRCNDDPRWCRPGSIIVTATNFCPPNPSLP
NNGGWCNPLQHFDLAEPSFLRIAQYRAGIVPVSFRRVPCVRKGGIRFTINGHSYFN
LVLITNVGGAGDVHSVSIKGSRTGWQPMSRNWQNWQSNLLNGQSLSFQVTASDG
RTVTSNNVVPANWQFGQTFEGGQF*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-45

ATGGCAATTAATCCTACATTCTCAGTTTCTTTGGTTCTCATTTTGATCAATGTTTGC
GTACTAGGCGCTTATGCCGGTTACGGTGGTTGGACGGATGCTCATGCCACATTTT
ACGGTGGAGGTGACGCCTCTGGCACTATGGGGGGAGCGTGTGGGTATGGAACT
TGACAGCCAAGGGTACGGGACTAGCACCGCGGCACTAAGTACCGCGTTGTTTAA
CAATGGATTGAGCTGTGGTTCATGCTATGAACTCCGATGCAATGACGACCCGAGA
TGGTGTCGCCCTGGTAGCATAATTGTGACTGCCACCAATTTCTGCCCTCCGAACCC
TTCTTTGCCTAATAACAATGGTGGATGGTGTAACCTCCTCTTCAACACTTTGATT
TGGCCGAGCCTTCTTTCTTGAGGATTGCCCAATACCGTGCTGGAATTGTCCCTGTT
TCCTTCCGAAGGGTACCCTGTGTTAGAAAAGGAGGGATAAGGTTACAATCAACG
GACACTCTTACTTCAACTTAGTCCTAATCACAACGTTGGTGGTGCGGGCGACGT
TCACTCCGTGTCGATTAAGGGTTCGAGGACCGGGTGGCAACCTATGTCAAGGAAT
TGGGGCCAAAATTGGCAAAGCAATTCTTTACTGAATGGGCAAAGCCTCTCATTCC
AAGTTACAGCTAGTGATGGAAGGACTGTTACAAGTAACAATGTTGTTCTTGCTAA
TTGGCAATTTGGACAAACTTTTGAGGGTGGTCAGTTTTAA

Nucleotide

>CqEXPA-45

CTAATACTCCACTCTTTTTACTTTCCCTCCGCCTTCTTTATTTCTCATTTTTTCCTAC
AAGAAAAAATGGCAATTAATCCTACATTCTCAGTTTCTTTGGTTCTCATTTTGAT
CAATGTTTGCCTACTAGGCGCTTATGCCGGTTACGGTGGTTGGACGGATGCTCAT
GCCACATTTTACGGTGGAGGTGACGCCTCTGGCACTATGGGTAAGTTCACAACCTG
CAGAGTATAACATTAGACACGTACACTTACGTGTTTTAAACGTTATACATTTAGC
ATTTTGCTAATTTGTTAACCAATTAATCATAATTAGTTGTTACATTGTCACACATT

ATATTTTAAATGGTAATAACAATTATTTTAGAATAGAGGGAGTAGTTTTTCGACAC
ATAATTATGTCCCGTGGTGATACATGTCTAATTGTATTATGATGAAAATGCAGGG
GGAGCGTGTGGGTATGGAACTTGTACAGCCAAGGGTACGGGACTAGCACCGCG
GCACTAAGTACCGCGTTGTTTAAACAATGGATTGAGCTGTGGTTCATGCTATGAAC
TCCGATGCAATGACGACCCGAGATGGTGTCGCCCTGGTAGCATAATTGTGACTGC
CACCAATTTCTGCCCTCCGAACCCTTCTTTGCCTAATAACAATGGTGGATGGTGTA
ACCCTCCTCTTCAACACTTTGATTTGGCCGAGCCTTCTTTCTTGAGGATTGCCCAA
TACCGTGCTGGAATTGTCCCTGTTTCCCTCCGAAGGTATATTACTTTAATGTCGTG
TTCATTTATTTCCACCTATCAAACGAGATACTTTTTACATCGTCAAAAATTGACAC
GTACTTGATTTTTTCATCACTTTTTGCTCGGTTTTCAAATCGAGTAAAAAGTTAACAG
TAACTACTCGTATAAAAGTAACATGGAGTACTGTAACTTGTAAGTGGATGTTA
AAAAAAAAAAAAAATGTTGTTTTAGACGTTTTTAAATTGCCGAAGTGCTTAACTAA
TTAGGTAAATAGACTTTTTATGTTGTAACGTTTTTTTTTTTTTTGGTACTTACAATTAT
ACGAGTAGTCGAGTAGTACACTAATACGTTACATGGTTGAAAAATTGGCAGGGTA
CCCTGTGTTAGAAAAGGAGGGATAAGGTTACAATCAACGGGACTCTTACTTCA
ACTTAGTCCTAATCACAACGTTGGTGGTGCGGGCGACGTTCACTCCGTGTCGAT
TAAGGGTTCGAGGACCGGGTGGCAACCTATGTCAAGGAATTGGGGCCAAAATTG
GCAAAGCAATTCTTTACTGAATGGGCAAAGCCTCTCATTCCAAGTTACAGCTAGT
GATGGAAGGACTGTTACAAGTAACAATGTTGTTCCCTGCTAATTGGCAATTTGGAC
AACTTTTGAGGGTGGTCAGTTTTAATTAATTAGTTAAGTTAATTAACATATT
GCCTATTTTTCCTATAAAATATTAATATTTTGAAGAGTGTAATAAAAAAAAA
TTAAAATTTGTAATTATATTTGGAAAGAGGAGAGAGAAATTGATAGGGAAAGGT
GGTTGGCCATATTTGTGGCTTGGAGTTGCTGTGGTGCCTAATGTTTGGCACCCGCT
AAAGCCCTTATTTTGTTTTTGGTAATTTTTATTTTAAAGTGAGTAATTAGTTAATT
AGATATTTTATGAAAATATGAATTTTCCAAATAGCTATATTATAAAGCTTTTGG
TTATATCATATTCTTCTGTATGTAAAGACTAGAGTGATTGCTCGAGTGTTTGTAC
TCTGTAGTAATCTGATTTAGTCAATCAATTATTATGAGAATGATGATTTTCAGATTT
TGCAATTAT