

IDENTIFICATION

Species: *Chenopodium quinoa*

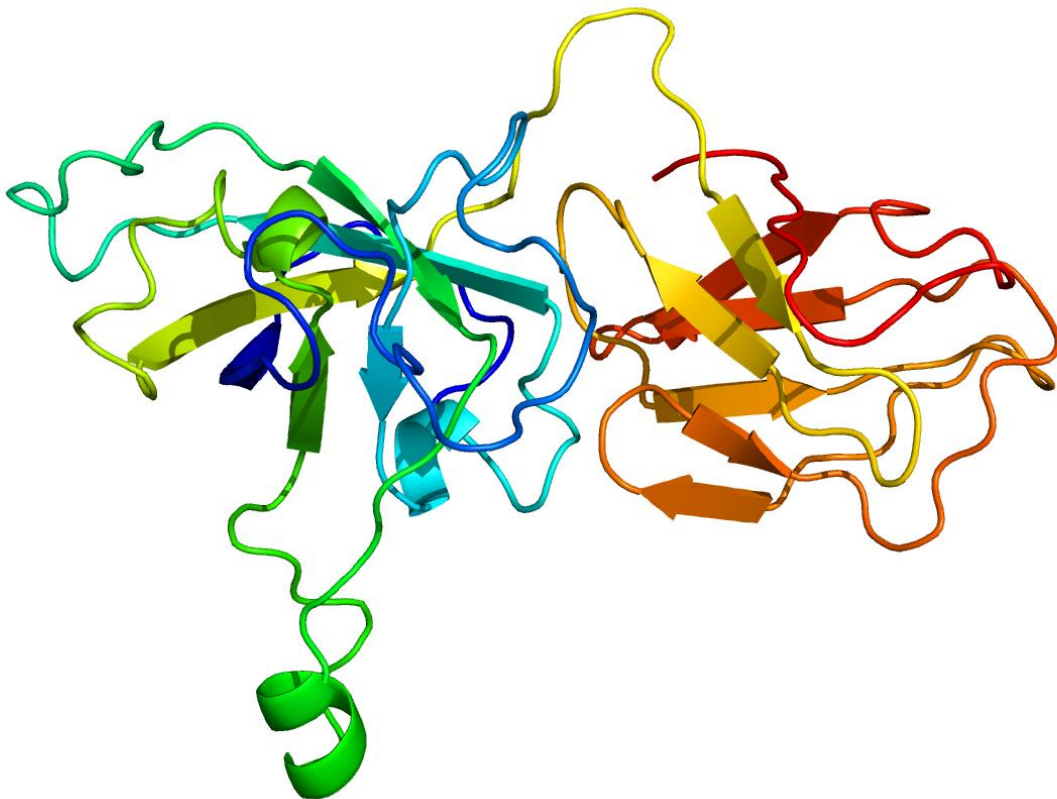
Locus: AUR62009564

Gene Model: AUR62009564

Description: CqEXPA-33

Family: Alpha Expansin

3D structure:



GENOME DATABASES

Phytozome: https://phytozome-next.jgi.doe.gov/info/Cquinoa_v1_0

KEGG: <https://www.genome.jp/entry/T05764>

EXTERNAL RESOURCES

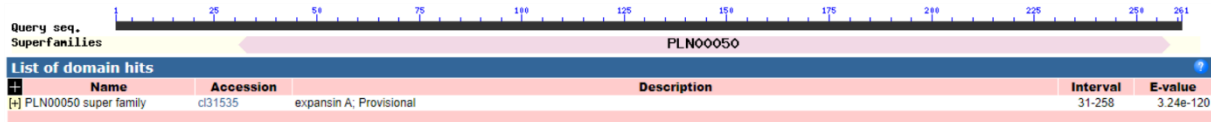
<https://www.cbrc.kaust.edu.sa/chenopodiumdb/>

<http://quinoa.kazusa.or.jp/index.html>

GENE STRUCTURE



DOMAIN ARCHITECTURE



SEQUENCES

Peptide

>CqEXPA-33

MFSSIINIISLITLWVSLTLVDARIPGNYQGGSWQTAHATFYGGADASGTMGGACGYG
NLYSQGYGVNTAALSTALFNGLSCGACFEIKCADDPSWCHPGSPSILVTATNFCPPN
FAQASDNGGWCNPPRPHFDLAMPMFLKLAQYRAGIVPVSYRRVPCRKRGGIRFTING
FRYFNLVLITNVAGAGDIVRTYVKGSRTNWMPMSRNWQNWQNSVLVGQALSFR
VVASDRRSSTSWNIAPAHWQFGQTFGTGKNFRV*

CDS (coding sequence)

>CqEXPA-33

ATGTTTAGTAGTATTATTAACATAATTTTCATTAATTACATTATGGGTTTCATTAAC
ATTGGTTGATGCTAGAAATTCCTGGAAATTACCAAGGTGGTTCATGGCAAACCTGCC
CATGCTACTTTCTACGGTGGTGCGGATGCTTCTGGCACCATGGGTGGAGCATGTG
GTTATGGGAACTTGTACAGTCAAGGTTATGGTGTGAACACAGCAGCACTAAGCAC
AGCGTTGTTCAACAACGGTCTTAGTTGCGGTGCTTGTGCTTTGAAATCAAGTGCGCT
GATGACCCTAGCTGGTGCCACCCAGGAAGCCCGTCTATACTCGTTACGGCTACTA
ATTTCTGCCCGCCTAACTTCGCCCAAGCTAGTGACAATGGTGGGTGGTGCAACCC
TCCTCGCCCTCACTTTGACCTTGCTATGCCCATGTTCCCTAAGCTGGCTCAATACC
GCGCCGGCATTGTTCCCTGTCTCTTACCGCAGGGTGCCATGCCGTAAGCGTGGAGG
GATCAGGTTCAACAATCAATGGGTTCGGTACTTCAACTTGGTTTTGATCACCAATG
TTGCGGGTGCAGGGGATATTGTGAGGACTTATGTGAAAGGATCAAGGACTAACT
GGATGCCAATGAGCCGTAATTGGGGTCAAACTGGCAATCCAACCTCGGTTTTGGT
TGGACAAGCACTCTCCTTTAGGGTGTAGCCAGTGACAGGAGGTCTTCCACTTCTT
GGAACATTGCTCCCGCTCATTGGCAATTTGGACAGACTTTTACCGGCAAAAATTT
CAGGGTTTAA

Nucleotide

>CqEXPA-33

TGGCAATGTTTAGTAGTATTATTAACATAATTTTCATTAATTACATTATGGGTTTCA
TTAACATTGGTTGATGCTAGAAATTCCTGGAAATTACCAAGGTGGTTCATGGCAA
CTGCCCATGCTACTTTCTACGGTGGTGCGGATGCTTCTGGCACCATGGGTATGTTC
GTCTTTTCCCTCTCTCACCCAACCCTTTTTCTAATTATACATTAACAATTTGATTACT
AACAACTTAACCATAATGTACCTCCTTAATTACTCACTTTTTCTAATCCAAA

ATGTGGGTACCCTCAAGGGCATTTCAGTCATTTTTAAAAATACCAAAAATGCCCT
CTTCTGATCAATTTTGTTCGGATGTTCAATAGGTGGAGCATGTGGTTATGGGAAC
TTGTACAGTCAAGGTTATGGTGTGAACACAGCAGCACTAAGCACAGCGTTGTCA
ACAACGGTCTTAGTTGCGGTGCTTGCTTTGAAATCAAGTGCGCTGATGACCCTAG
CTGGTGCCACCCAGGAAGCCCGTCTATACTCGTTACGGCTACTAATTTCTGCCCGC
CTAACTTCGCCCAAGCTAGTGACAATGGTGGGTGGTGCAACCCTCCTCGCCCTCA
CTTTGACCTTGCTATGCCCATGTTCCCTAAGCTGGCTCAATACCGCGCCGGCATTG
TTCCTGTCTCTTACCGCAGGTTTGCCTTCTTTTTCTCTCTCTTCCCCTGCTTTTTTA
TTTGCGGAAAATGATAAATGTAGTCCTTCATATTACTTACTCTGTATTAACGTGTG
ATTTTGTGATATAATTTCTAAACTTGTCTGTTTTAGAGAATGTATTTAATGCTTGGT
ACTCTTATTTTTATTCATTGGAGGGGGTGATTTTGTTTTTATTTTTAGAATTAATAA
GGCTTAAAAAATTGAATGGTAATTTGTTGTTGATTTACAAGAAATTAAGGAACAG
TTTGACGGTTGAGTTAGACTTTTTAAGAGGAATGAAAATAAATGCGAGGAAATAC
CACCATTGTGGATGCTCTTAGACAGTTACGAGTCATTTTCGTAATTAATCCTAGTA
ATAATGGTCTACGTCTAACCTTCGTGGAGTGTTAGTTTTATGACTTTATCTTGTGT
TGTCAAGTAAACAACGGAGTACGGAATTGTGACTTTTTGGTTTGGAACGTAGTTG
TTTTAGTCCTAATTACTTTGATTA AAAAATTAATTAGGAAGATGATAATTTTAAAAA
GGTTGACAGAGAGTGTATAAAGTTGAGTATAGTGGGTAGTGACTAGTATGATTTA
TAACAAGTGTTCAATTGGTTTAGACTTATTAAGTAGAGATCTTAAATAAAGAAAAT
TAAAAAAGGTGGGACTAGAAATGTCTCATTATTTGTACTGTAGTTTAAACTTAA
AAGGGTTAGGTTTTGTGCGTGAAAAATATCTTCAAAGGAACATTTTATAATTTCA
GAAGCAGAGTATACTACAGTACTGTATATTGTTTCAGATGAGTGGGTAGTAGATT
TAGAGCCTCTTATGATTTGCTAAAATGAATTATTTATGAAAAGGAAATTAGAAAA
TGAAGTGAATTTGAACTTATTGGACATGCACTGAATTGAAATTAAGTCGAAGAGA
ACAAGCTTTTAGTACCAATAAGATTGGTCAACCTTTAGGAGCTTAAGAAAGTACT
CAATCACTTAACTCTTAATTACCTTCATTTGATTGTATGATTATGAAACATGACTT
GTATAAGTATAATTTATACCTAAGAGCATATGCAACGTTGGTCTTTTCCGCATTTT
TCATTATAATCTCTTTGTGTTATCACTACTTATCCCCGGAATGATTTGATAGTTCTA
CACTACTAGTGTCGTAAATTCTTTCAACAACAAATGAAATGTCTAATTAGAAGTG
GAATTCTAACCGCTTTCAAATTTTGGCATAATTTTGTTCCTTGGAAATGTTTACAA
CAATTGCATGAGTGGAAATCTCGATGAAATTCAGTGTCAAATTGCTGAGCTAG
AATTGTTGAATAAGTATGTGAAAAGCATGTGACAATTTAGCAGCTTTATGATTTT
CTAGAAGACTAAAAAGTCAAATTAAGTTAGTACTAGTACTACTATAACCCAAATT
CAAGACTAATGGGCCAAAACCTTTAACCAGATTA AAAATCCGGATCCAATGTGAAA
ACAAAACCAAATACCCACACCATTTTGTCCACAATACCAGGAGAAATTTATTAGG
GTGCGGTCTTCCACTCGCATGTTCCCATGCACAGTCTTCAATACTCCCACCAAATC
AACGGCCATGATCTCATCACATTCACACACCGTTTTCCCGTACCTAAAATATCTGA
TATACCCTTCTAACGACCATTGTTGTGTATTATTTAATATTGCAGGGTGCCATGCC
GTAAGCGTGGAGGGATCAGGTTACAATCAATGGGTTCCGTTACTTCAACTTGGT
TTTGATCACCAATGTTGCGGGTGCAGGGGATATTGTGAGGACTTATGTGAAAGGA
TCAAGGACTAACTGGATGCCAATGAGCCGTAATTGGGGTCAAACTGGCAATCC
AACTCGGTTTTGGTTGGACAAGCACTCTCCTTTAGGGTTGTAGCCAGTGACAGGA
GGTCTTCCACTTCTTGGAACATTGCTCCCGCTCATTGGCAATTTGGACAGACTTTT
ACCGGCAAAAATTTAGGGTTTAAAAAATTTTACCCCTTTTAACCACTAAAG